

Simplification de paramètres

F. Lemaire, **A. Temperville**

Département d'Informatique, laboratoire CRISAL

Université Lille, Villeneuve d'Ascq

`a.temperville@ed.univ-lille1.fr`

L'algorithme CSB (Compute Sparsest Basis), développé dans [1], permet de calculer une base la plus creuse équivalente à une base donnée. Il permet notamment, dans un contexte biologique, d'établir des bases les plus creuses de lois de conservations issus des modèles de base de données Biomodels [2].

Je présenterai une application de l'algorithme CSB permettant de rendre plus creuses des fractions rationnelles, par le biais de changements de variables. J'illustrerai le principe de cette simplification sur quelques exemples.

Bibliographie

- [1] F. LEMAIRE, A. TEMPERVILLE, *On Defining and Computing "Good" Conservation Laws*, Computational Methods in Systems Biology (2014), pp. 1–19.
- [2] *BioModels DataBase*, <http://www.ebi.ac.uk/biomodels-main/publmodels>, Online accessed July 3rd, 2015.